



B135

**SATURAÇÃO DO MAPA GENÉTICO DE UMA VARIEDADE COMERCIAL DE CANA-DE-AÇÚCAR COM MARCADORES MOLECULARES DO TIPO RFLP**

Cynthia Saraiva Leite (Bolsista PIBIC/CNPq), Andreia Navarro Meza (Bolsista MS FAPESP), Prof. Dr. Antonio Augusto Franco Garcia, Depto Genética – ESALQ/USP e Profa. Dra. Anete Pereira de Souza (Orientadora), Instituto de Biologia - IB, UNICAMP

As variedades cultivadas de cana-de-açúcar (*Saccharum spp*) são derivadas de um complexo de hibridizações interespecíficas entre as espécies *S. spontaneum* e *S. officinarum*, culminando além da alta ploidia em aneuploidia ( $2n = 100 + 5-30$ ). A importância econômica desta cultivar relaciona-se a de produção de açúcar e álcool, especialmente nos trópicos. A utilização de variedades modernas como uma população para detecção de associações de marcadores moleculares a traços agrônômicos torna interessante o estudo de mapeamento deste tipo de organismo. Nesse contexto, o presente estudo teve o objetivo de saturar um mapa de variedade comercial de cana-de-açúcar utilizando marcador do tipo RFLP. Para a aquisição dos marcadores foram utilizados sondas provenientes de banco genômico de *Saccharum spp* em combinação com 4 diferentes enzimas: DraI, EcoRI, EcoRV, XbaI. Foram selecionados 19 marcadores em dosagem única no genoma obtidas da combinação de 7 sondas/enzima. Após a genotipagem desses marcadores na população derivada de cruzamento entre as variedades SP80-180 e SP80-4966, houve análise multiponto através do programa JoinMap. Os marcadores SG155 e SG157 foram integrados ao mapa previamente construído, formando mais dois grupos de ligação.

Saturação - Variedade Comercial de Cana-de-Açúcar- RFLP