



B034

CARACTERIZAÇÃO DE UMA FAMÍLIA DE GENES, CORRESPONDENTES A MUPS (MAJOR URINARY PROTEINS) DE CAMUNDONGOS, EXPRESSOS EM TUMORES HUMANOS

Carolina Carvalho Ribeiro do Valle (Bolsista PIBIC/CNPq) e Profa. Dra. Christine Hackel (Orientadora), Faculdade de Ciências Médicas - FCM, UNICAMP

Dentre os ESTs seqüenciados no Projeto Genoma Humano do Câncer, em cDNAs oriundos de RNAm de tumores de cólon e de Wilms (nefroblastoma), foram identificados clones significativamente similares a uma classe de proteínas altamente preservadas evolutivamente e descritas em diversas espécies inclusive *Mus musculus*. Essas proteínas, MUPs (Major Urinary Proteins), ainda não foram descritas na espécie humana. Em murinos, as MUPs ligam-se a feromônios, atuando como portadoras dos efetores voláteis de comportamento e fisiologia. O objetivo desse projeto é identificar a seqüência completa do gene humano correspondente ao gene MUP4 de camundongos por meio de rastreamentos de biblioteca de cDNA humano de rim normal, ou em linhagem celular de adenocarcinoma de cólon (HT29) e verificar a sua expressão tecido-específica por Northern Blot. O "screening" da biblioteca de cDNA humano de rim foi realizado por meio de PCR com primers específicos desenhados para a predita MUP humana, sendo os resultados, até o momento, negativos. Experimentos com a linhagem de adenocarcinoma de cólon estão sendo realizados.

Genoma - MUP4 - cDNA