



B034

DETECÇÃO E CARACTERIZAÇÃO DA DUPLICAÇÃO DO GENE TRNA^{LE} NA REGIÃO CONTROLE DO DNAMT DE MOSCAS CAUSADORAS DE MIÍASES (DIPTERA: CALLIPHORIDAE)

Gustavo Turqueto Duarte (Bolsista PIBIC/CNPq), Ana Carolina Martins Junqueira, Tatiana Teixeira Torres e Profa. Ana Maria Lima de Azeredo-Espin (Orientadora), Instituto de Biologia - IB e Centro de Biologia Molecular e Engenharia Genética - CBMEG, UNICAMP

A família Calliphoridae, formada por moscas causadoras de miíases, apresenta grande importância econômica, médica, sanitária e forense. Similaridades ecológicas e morfológicas dificultam a identificação de espécies, principalmente durante os estágios larvais. O DNA mitocondrial (DNAMt) vem sendo muito utilizado na caracterização da variabilidade genética, possibilitando a identificação precisa de califorídeos. A região controle (RC) representa a maior porção não-codificadora do genoma mitocondrial, com alto conteúdo de bases A e T em insetos. Dividida em duas diferentes subregiões – domínio A, com blocos conservados de seqüência; e domínio B, hipervariável – a RC pôde ser recuperada em duas reações separadas de PCR em doze espécies de califorídeos. A análise de suas seqüências mostrou uma duplicação completa do gene tRNA^{le} após o domínio B de cinco espécies do gênero *Chrysomya*: *C. albiceps*, *C. bezziana*, *C. putoria*, *C. megacephala* e *C. rufifacies*. A duplicação do tRNA^{le} pode ser usada como marcador molecular para o gênero *Chrysomya*, uma vez que não foi reportada para outros gêneros de Calliphoridae. A caracterização da RC permitirá uma avaliação de seu potencial como marcador molecular para estudos evolutivos bem como para a identificação de espécies.

DNAMt - Calliphoridae - Região controle