



B242

PROTEOMA COMPARATIVO DO FITOPATÓGENO XANTHOMONAS AXONOPODIS PV. CITRI: AMOSTRAS NORMAIS E MUTANTES PARA SISTEMAS DE SECREÇÃO TIPO II

Ricardo Shiniti Oka Horiuchi (Bolsista PIBIC/CNPq) e Prof. Dr. José Camillo Novello (Orientador), Instituto de Biologia - IB, UNICAMP

No Brasil, os fitopatógenos geram grandes perdas econômicas. Um destes fitopatógenos é a bactéria *Xanthomonas axonopodis* pv. *citri*, causadora da doença conhecida por Cancro Cítrico. Esta bactéria teve seu genoma decifrado e então novos trabalhos funcionais usam estes dados gerados a fim de se entender melhor a patogenia causada, principalmente no aspecto molecular, por onde acredita-se poder atacar este patógeno. Para estudar as possíveis funções dos genes SS-II e sua relação com a patogenicidade da *Xanthomonas axonopodis* pv. *citri*, linhagens mutantes desses genes foram desenvolvidas. A proteômica surge como uma ferramenta de estudo diferencial na expressão protéica de diferentes amostras. O presente trabalho visou comparar, através de técnicas de SDS – PAGE, Eletroforese Bidimensional e Espectrometria de Massas, o proteoma da *Xanthomonas axonopodis* pv. *citri* em condições normais de crescimento (a mesma linhagem e mesmo modo de crescimento utilizado pelo genoma) com o proteoma de células de *Xanthomonas axonopodis* pv. *citri* com genes nocauteados. Foram observadas diferenças na expressões proteicas das amostras utilizadas no estudo.

Proteoma - *Xanthomonas axonopodis* pv. *citri* - Cancro cítrico