



B0251

**PREDIÇÃO E VISUALIZAÇÃO DE VIAS METABÓLICAS PRESENTES NO GENOMA DRAFT DE *CRINIPELLIS PERNICIOSA***

Lucas Pedersen Parizzi (Bolsista PIBIC/CNPq), Eduardo Fernandes Formighieri (Co-Orientador) e Prof. Dr. Gonçalo Amarante Guimarães Pereira (Orientador), Instituto de Biologia - IB, UNICAMP

A anotação das seqüências obtidas pelos projetos genoma, baseada em diversas análises computacionais e comparação com seqüências de outros organismos, é que traz significado aos dados. Ela potencializa desta forma, o estudo da evolução das espécies, a compreensão do metabolismo dos organismos e o combate a doenças e pragas. O trabalho visa auxiliar os pesquisadores a analisar as informações do genoma no âmbito de vias metabólicas. O programa PathoLogic, ferramenta da base de dados BioCyc, foi utilizado para inferir as vias metabólicas presentes no organismo. Foram analisados 3130 *clusters* de ESTs de *C. pernicioso* anotados manualmente. As informações necessárias ao PathoLogic (nome do gene, nome do produto e/ou número EC) foram observadas em 878 *clusters* e utilizadas como entrada para o programa. Foi construído mapa da rede metabólica contendo 148 vias metabólicas, 771 reações enzimáticas e 660 compostos. Os dados inferidos estão passando por revisão para retirada de falso-positivos e inclusão de vias e reações não identificadas, mas com a presença apontada por outras análises.

Vias metabólicas - Anotação metabólica - *Crinipellis pernicioso*