

B231

IDENTIFICAÇÃO DE PROTEÍNAS POTENCIALMENTE RELACIONADAS A PATOGENICIDADE DO FITOPATÓGENO *XANTHOMONAS AXONOPODIS*

Flavia Vischi Winck (Bolsista CNPq) e Prof. Dr. Marcos Antonio Machado (Orientador), Instituto de Biologia – IB, UNICAMP

A *Xanthomonas axonopodis* pv citri (Xac) é uma bactéria gram negativa causadora do cancro cítrico, uma séria doença que afeta muitos pomares de citros com significativo impacto econômico na produção mundial destas frutas. O estudo do processo de patogênese e desenvolvimento da patogenicidade nos hospedeiros de Xac é de grande interesse para conhecermos os mecanismos pelos quais a bactéria consegue promover o cancro nas plantas de citros. A identificação de proteínas envolvidas com os mecanismos de patogenicidade torna-se uma interessante ferramenta para a compreensão dos processos desencadeados pela bactéria na planta hospedeira. Para isto foram estudadas proteínas super expressas por Xac em um meio de cultura supostamente indutor de patogenicidade (XVM₂) através da análise proteômica comparativa. Utilizando a técnica de Eletroforese Bidimensional para estudo comparativo dos mapas 2DE de proteínas de Xac e posterior digestão das proteínas, as proteínas diferencialmente expressas foram identificadas por Espectrometria de massas (MLADI-ToF) e “peptide mass fingerprint”.

Proteoma -Eletroforese Bidimensional -Proteínas