

B075

ESTUDO MOLECULAR DA MENOPAUSA PRECOCE: EVIDÊNCIAS PARA IDENTIFICAÇÃO DE GENES NO CROMOSSOMO X ENVOLVIDOS NA DETERMINAÇÃO OVARIANA (FASE 1)

Ana Carla Mesquita (Bolsista PIBIC/CNPq) e Prof. Dr. Gil Guerra Júnior (Orientador), Faculdade de Ciências Médicas – FCM, UNICAMP

Inúmeras são as causas de menopausa precoce (MP), destacando-se as adquiridas como radioterapia, doenças auto-imunes e infecciosas, entre outras. Entre as causas de origem genética destacam-se as disgenesias gonadais com ou sem síndrome de Turner. No entanto, alguns genes ou locus no cromossomo X têm sido implicados na determinação ovariana. Portanto, em uma fase inicial (Fase 1), o objetivo deste estudo foi identificar casos de MP sem etiologia definida e realizar a extração do DNA genômico. Para tanto, foi feito um levantamento inicial no arquivo nosológico da Ginecologia Endócrina do CAISM – UNICAMP, na identificação dos casos de MP. Entre cerca de 200 casos com MP, somente os de etiologia ainda não definida foram avaliados pela autora, e, as pacientes foram convidadas a participar do estudo com autorização por meio do termo de consentimento pós-informado aprovado pelo Comitê de Ética em Pesquisa da FCM – UNICAMP. Foi preenchido protocolo clínico e colhido cerca de 10 mL de sangue para extração do DNA genômico. Até o momento, 11 pacientes entraram no estudo com idade média no início dos sintomas de $31,7 \pm 6$ anos (20 a 39 anos), diagnóstico da MP aos $34,3 \pm 5,6$ anos (24 a 41 anos), sendo 5 com história semelhante na família e 2 com casamento consanguíneo entre os pais. O DNA genômico de todas já foi extraído e, também, já foi iniciado o treinamento da autora para a realização do estudo molecular do gene FMR1.

Menopausa - Precoce - Cromossomo XGene