

B246

**FILOGENIA MOLECULAR DE ESPÉCIES DE “HYLA DE 2N=30 CROMOSSOMOS” (ANURA:HYLIDAE)**

Gabriel Toselli Barbosa Tabosa do Egito (Bolsista FAPESP), Profa. Dra. Luciana Bolsoni Lourenço (Co-orientadora), UEL, Profa. Dra. Shirlei Maria Recco-Pimenel (Orientadora), IB-UNICAMP, Maurício Bacci-Jr, CEIS-UNESP Rio Claro e Vanderlei Geraldo Martins, CEIS-UNESP - Rio Claro

Os anfíbios vêm apresentando declínio populacional desde o século passado. Na busca de conhecer mais sobre sua diversidade, a escassez de sinapomorfias morfológicas têm sido uma dificuldade para os sistematas. A família Hylidae, em especial o gênero *Hyla*, ainda apresenta relações filogenéticas pouco conhecidas. Utilizando a seqüência completa do gene mitocondrial ribossomal 12S, foram estudadas 10 espécies de *Hyla* com número diplóide (2n) de 30 cromossomos, num total de 30 populações com 3 indivíduos cada. Especial ênfase foi dada às espécies próximas e pertencentes ao grupo de *H. nana*, que são morfológicamente muito similares e taxonomicamente problemáticas. As inferências filogenéticas foram feitas através dos métodos de neighbor-joining e máxima parcimônia utilizando o programa PAUP\* 4b10. Os resultados mostraram quatro clados com o monofiletismo bem suportados pelo teste de *bootstrap*: (1) *H. elianeae* e *H. rubicundula*, (2) com *H. nana* parafilética em relação a *H. walfordi*, (3) com *H. sanborni* parafilética em relação à população de *H. nana* da Serra da Bodoquena - MS e (4) *H. minuta*. Sugere-se uma revisão taxonômica de modo que *H. walfordi* seja considerada sinônima de *H. nana* e sejam redefinidos os critérios de identificação de *H. nana* da população da Serra da Bodoquena.

Sistemática Molecular - Anfíbios - Filogenia