

B206

DETECÇÃO E CARACTERIZAÇÃO DA DUPLICAÇÃO DO GENE tRNA^{ILE} NA REGIÃO CONTROLE DO DNAMT DE MOSCAS CAUSADORAS DE MIÍASES (DÍPTERA: CALLIPHORIDAE)

Gustavo Turqueto Duarte (Bolsista PIBIC/CNPq), Ana Carolina Martins Junqueira, Tatiana Teixeira Torres e Profa. Ana Maria Lima de Azeredo-Espin (Orientadora), Instituto de Biologia, Lab. Genética Animal, DGE/CBMEG, UNICAMP

A família Calliphoridae, formada por moscas causadoras de miíases, é conhecida por sua importância econômica, médica, sanitária e forense. Similaridades ecológicas e falta de caracteres morfológicos dificultam a identificação de espécies, principalmente durante os estágios larvais. O DNA mitocondrial (DNAMt) vem sendo muito utilizado na caracterização da variabilidade genética e na identificação de califórídeos. A região controle (RC) é a maior porção não-codificadora do DNAMt, com alto conteúdo de bases A e T em insetos. A RC completa pôde ser recuperada em duas reações de PCR, correspondentes aos domínios A (com blocos conservados de seqüência) e B (hipervariável). A análise das seqüências de dez espécies mostrou uma duplicação completa do gene tRNA^{ile} após o domínio B de cinco espécies do gênero *Chrysomya*: *C. albiceps*, *C. bezziana*, *C. chloropyga*, *C. megacephala* e *C. rufifacies*. A duplicação do tRNA^{ile} pode ser usada como marcador molecular para identificação deste gênero, uma vez que não foi reportada para outros gêneros de Calliphoridae. A caracterização da RC permitirá uma avaliação dessa região como marcador molecular para estudos evolutivos bem como para identificação de espécies.

DNAMt - Calliphoridae - Região Controle