

B223

EXPRESSÃO E DETECÇÃO DE GENES ENVOLVIDOS COM PATOGENICIDADE DE *CRINIPPELLIS PERNICIOSA*

Alessandra Lanza Rego (Bolsista PIBIC/CNPq), Maricene Sabha e Prof. Dr. Gonçalo Amarante Pereira (Orientador), Instituto de Biologia - IB, UNICAMP

O fungo basidiomiceto *Crinipellis pernicioso* (Stahel), agente etiológico da vassoura-de-bruxa, ataca tecidos meristemáticos de cacauzeiro (*Theobroma cacao*), causando anormalidades como hiperplasia e hipertrofia dos tecidos infectados. Tal doença constitui uma ameaça à produção de cacau no Brasil, especialmente no estado da Bahia, principal região produtora do país, podendo ocasionar perdas de 70 a 90% na produção. Os mecanismos relacionados à patogenicidade do fungo ainda são pouco conhecidos, sendo que a identificação de genes diferencialmente expressos em estágios distintos do desenvolvimento do fungo auxiliaria na busca por marcadores moleculares para diagnóstico e tratamento da doença. Neste estudo, utilizamos a metodologia de *microarrays* como ferramenta para identificar mRNAs especificamente induzidos no fungo *C. pernicioso*, na presença/ausência de extrato de *T. cacao* no meio de cultura, em intervalos curtos de tempo, 24, 48, 72 e 168 horas. Nossos experimentos demonstraram um aumento na expressão de vários genes, como os da integrase, hidrolase e precursor de lipase. O gene GAPDH (gliceraldeído 3-fosfato desidrogenase), geralmente utilizado como balizador em alguns experimentos, revelou aumento significativo de expressão na presença de cacau, nos diversos intervalos de tempo analisados, sugerindo a não utilização deste gene como controle. O resultado foi confirmado por northern blot.

Crinipellis pernicioso - Expressão Diferencial - Patogenicidade