

B242

PROTEOMA DA *HELICOBACTER PYLORI* : CONSTRUÇÃO DE MAPA DE REFERÊNCIA E IDENTIFICAÇÃO DE PROTEÍNAS

Diego Roberto Barbosa Pereira (Bolsista PIBIC/CNPq) e Prof. Dr. Sérgio Marangoni (Orientador), Instituto de Biologia – IB, UNICAMP

A *Helicobacter pylori* é uma bactéria gram-negativa, microaerófila e flagelada, que é agora reconhecida como a principal causadora de úlceras pépticas. A análise do proteoma pode desvendar respostas celulares e a expressão protéica da bactéria em seu microambiente. Este projeto teve como objetivo padronizar um protocolo de preparação de amostras das proteínas da *H. pylori*, fazer um mapa dessas proteínas usando a eletroforese em 2 dimensões (2D) e identificar proteínas por espectrometria de massas. Para isso foi feita a ruptura das células e a extração de suas proteínas num tampão de lise, a 1ª dimensão da eletroforese, que utiliza a isoeletrofocalização, a 2ª dimensão da eletroforese realizada em gel de acrilamida 14% e identificação de peptídeos após digestão com tripsina. Foram visualizados os spots de proteínas do gel através do método de detecção por solução de nitrato de prata e alguns dos principais spots foram identificados pelo método Peptide Mass Fingerprinting em espectrômetro de massas MALDI-TOF. A realização deste trabalho propicia vários estudos subseqüentes, à medida que a construção de mapas 2D de boa resolução é o primeiro passo para conseguir identificar proteínas por espectrometria de massas MALDI-TOF e analisar comparativamente cepas de *H. pylori*.

Proteoma - *Helicobacter pylori* - Eletroforese