

B033

ARTHROPODAN MITOCHONDRIAL GENOMES ACCESSIBLE DATABASE – AMIGA

Lissiene Silva Neiva (Bolsista CNPq), Ricardo Vicentini dos Santos, Pedro Cipriano Feijão, Profa. Dra. Ana Maria Lima de Azeredo-Espin e Profa. Dra. Ana Cláudia Lessinger (Orientadora), Centro de Biologia Molecular e Engenharia Genética - CBMEG, UNICAMP

O desenvolvimento de tecnologias genômicas e a importância do genoma mitocondrial como ferramenta para a realização de estudos filogenéticos têm gerado um aumento significativo no número de genomas mitocondriais seqüenciados. Estas seqüências encontram-se cadastradas tanto em bancos de dados amplos como os do NCBI (<http://www.ncbi.nih.gov>) quanto em bancos de dados menores e mais funcionais. Identificamos a importância e a utilidade de desenvolver um banco com genomas mitocondriais completos de artrópodes para otimizar o acesso a essas informações. O banco de dados AMiGA está sendo construído em linguagem SQL (Standard Query Language) em um sistema relacional (MySQL) e preenchido com seqüências e outras informações relevantes retiradas das fontes do NCBI. Este banco de dados tem como objetivo fornecer um conjunto atualizado de seqüências e ferramentas úteis para análise e comparação desses genomas. Através de uma interface gráfica via web o público terá acesso livre às ferramentas de análise, às seqüências de nucleotídeos e de aminoácidos, além de mapas físicos, artigos científicos e grupos de pesquisa. Informações sobre constituição nucleotídica e utilização de códons também serão disponibilizadas. Este novo banco de dados visa tornar mais acessíveis as informações sobre genomas mitocondriais de artrópodes e fornecer ferramentas para otimizar as análises comparativas neste grupo, contribuindo para a compreensão da evolução deste sistema genômico.

Banco de Dados - Artropoda - Genoma Mitocondrial