



B024

ESTRUTURA E EVOLUÇÃO DO GENE COI E DA REGIÃO-CONTROLE DO DNAMT DE HAEMATOBIA IRRITANS, STOMOXYLS CALCITRANS E MUSCA DOMESTICA (DIPTERA: MUSCIDAE)

Marcos Túlio de Oliveira (Bolsista IC-PROFIX/CNPq), Profa. Dra. Ana Maria Lima de Azeredo-Espin (Coordenadora) e Dra. Ana Cláudia Lessinger (Orientadora PROFIX/CNPq), Centro de Biologia Molecular e Engenharia Genética - CBMEG, UNICAMP

Análises de regiões específicas do DNA mitocondrial (DNAMt) podem fornecer dados importantes para estudos evolutivos em insetos. Neste trabalho, o seqüenciamento e a caracterização do gene COI e da região controle (RC) do DNAMt foram realizados para a mosca-dos-chifres (*H.irritans*), a mosca-dos-estábulo (*S.calcitrans*) e a mosca doméstica (*M.domestica*). O conteúdo de A+T da região COI (69.4% a 71.3%) nestas espécies é o maior descrito em Diptera. Análises comparativas entre as sequências de aminoácidos previstas para o gene COI destas espécies mostram uma similaridade de 98,6 e um padrão de evolução estrutural de acordo com o modelo descrito em insetos. As RCs de *H.irritans* e *M.domestica* possuem 1256pb e 1287pb, respectivamente, e resultados preliminares em *S.calcitrans* indicam eventos de deleção nesta região. Blocos de sequência conservada, previamente descritos em moscas varejeiras (Calliphoridae e Oestridae), foram identificados na RC de Muscidae, indicando a importância destes elementos para os processos de replicação e transcrição do DNAMt em Diptera. Além do interesse no padrão de evolução molecular, a caracterização destas regiões pode contribuir com estudos de variação intra e interespecífica nestas importantes pragas da pecuária e da saúde pública.

Muscidae – COI – Região -Controle do DNAMt