

B237

**LOCALIZAÇÃO SUBCELULAR DOS FATORES DE REGULAÇÃO DA TRANSCRIÇÃO ATBZIP76 E ATBZIP78 DE *ARABIDOPSIS THALIANA* EM UM SISTEMA DE EXPRESSÃO TRANSIENTE**

Amanda Bortolini Silveira (Bolsista PIBIC/CNPq), Luiz Gustavo Guedes Corrêa e Prof. Dr. Michel Vincentz (Orientador), Instituto de Biologia - IB, UNICAMP

O genoma de *Arabidopsis thaliana* codifica um conjunto não redundante e completo de 77 fatores de transcrição do tipo bZIP, sendo que faltam informações funcionais para aproximadamente metade desse conjunto. Fatores bZIP são caracterizados por um motivo básico de ligação ao DNA e localização nuclear, e por um zíper de leucinas, relacionado a dimerização. Identificamos um grupo de bZIPs homólogos de mono e eudicotiledôneas, incluindo AtbZIP76 e AtbZIP78 de *Arabidopsis*, que apresentam um motivo básico possivelmente alterado para a seqüência de localização nuclear bipartida característica dos fatores bZIP. Iniciamos uma análise funcional dos fatores AtbZIP76 e AtbZIP78 de *Arabidopsis*. Para isso fusões traducionais dos cDNAs destes fatores com o gene marcador "*Red Fluorescent Protein*" (RFP) foram obtidas e utilizadas pra definir a localização subcelular destas proteínas em um sistema de expressão transiente em células de cebola (*Allium cepa*). Os resultados indicam que esses fatores são direcionados ao núcleo, o que coloca em dúvida a real necessidade do domínio bipartido de localização nuclear para o correto endereçamento de todos os bZIPs.

bZIP - Regulação - RFP