

B051

**CARACTERIZAÇÃO DE UMA FAMÍLIA DE GENES, CORRESPONDENTES A MUPS (MAJOR URINARY PROTEINS) DE CAMUNDONGOS, EXPRESSOS EM TUMORES HUMANOS**

Carolina Carvalho Ribeiro-do-Valle (Bolsista PIBIC/CNPq), Andrey dos Santos, Maria Madalena Vasconcelos-Rosa e Profa. Dra. Christine Hackel (Orientadora), Centro de Biologia Molecular e Engenharia Genética - CBMEG, UNICAMP

Dentre os ESTs seqüenciados no Projeto Genoma do Câncer, em cDNAs oriundos de RNAm de tumores de cólon e nefroblastoma, foram indicados clones significativamente similares a uma classe de proteína altamente preservadas evolutivamente e descritas em diversas espécies inclusive *Mus musculus*. Essas proteínas, MUPs (Major Urinary Proteins), ainda não foram descritas na espécie humana. Em murinos, as MUPs ligam-se a feromônios, atuando como portadoras dos efetores voláteis de comportamento e fisiologia. O objetivo desse projeto é identificar a seqüência completa do gene humano correspondente à MUP4 de camundongos em biblioteca de cDNA de rim humano normal ou em linhagem celular de adenocarcinoma de cólon (HT29). O "screening" da biblioteca de cDNA humano de rim (~5.000 colônias) foi realizado com uma sonda MUP específica marcada com <sup>32</sup>P. Cerca de 20 colônias foram positivas na hibridização, dentre as quais 3 foram positivas em reações de PCR MUP-específicas. Esses clones serão seqüenciados. Em relação à HT29, foi possível identificar a expressão da MUP humana por meio de RT-PCR.

Adenocarcinoma - cDNA - Rim