



B035

CARACTERIZAÇÃO DO ITS2 DO rDNA EM MOSCAS CAUSADORAS DE MIÍASES (DIPTERA: CALLIPHORIDAE)

Marco Antonio T. Marinho (Bolsista FAPESP), Ana Carolina Martins Junqueira e Profa. Dra. Ana Maria Lima de Azeredo-Espin (Orientadora), Instituto de Biologia - IB e Centro de Biologia Molecular e Engenharia Genética - CBMEG, UNICAMP

As moscas da família Calliphoridae (Diptera) compreendem um grupo de grande importância médica, veterinária, econômica e forense por englobarem indivíduos causadores de miíases. Os marcadores moleculares vêm sendo amplamente empregados na avaliação da variabilidade genética intra e interespecífica, diagnóstico espécie-específico e inferências filogenéticas de espécies de califorídeos. O ITS2 é uma seqüência não codificadora localizada entre as sub-unidades 5,8S e 28S do rDNA, apresentando múltiplas cópias no genoma. O ITS2 foi seqüenciado automaticamente para 12 espécies de califorídeos após amplificação via PCR e clonagem. A análise comparativa das seqüências indica a existência de uma sub-unidade ribossomal 2S que divide o ITS2 em duas regiões: ITS2a com ~30pb e ITS2, que varia de ~290pb a ~350pb para as espécies já analisadas. A variação nucleotídica do ITS2 entre os califorídeos e a comparação da estrutura secundária formada no processamento do rRNA, contribuirão para a caracterização de regiões variáveis e conservadas ao longo da molécula e para a avaliação desta região como um marcador molecular eficiente para estudos genético-evolutivos em Calliphoridae.

Calliphoridae - ITS2 - Marcadores moleculares