



E0639

ESTUDO ESTRUTURAL DE UMA CHAPERONA FLAGELAR DA XANTOMONAS AXONÓPODES PV CITRI

Lilian Goulart Schultz (Bolsista FAPESP), Juliana Fattore, Ricardo Aparicio e Profa. Dra. Ljubica Tasic (Orientadora), Instituto de Química - IQ, UNICAMP

As bactérias Gram-negativas patogênicas usam vários sistemas de secreção (SS) para infectar a célula hospedeira. O T3SS é o sistema de secreção mais complexo de todos, onde uma agulha protéica se projeta para fora da célula bacteriana e perfura a membrana celular da célula hospedeira, fazendo a translocação de proteínas infecciosas de maneira rápida e eficiente. Esse processo requer chaperonas de secreção altamente específicas, que se ligam as proteínas que se quer exportar, desenovelando – as e tornando a exportação possível. O sistema flagelar, onde nossa proteína de interesse atua, é considerado um sistema precursor do T3SS. Apesar da baixa similaridade da sequência primária, as chaperonas de secreção apresentam algumas características comuns como baixo peso molecular (< 20 kDa), baixo pI, uma hélice anfipática no N-terminal e têm a tendência em dimerizar. Nesse trabalho apresentaremos algumas características estruturais de uma chaperona flagelar pertencente a *Xanthomonas axonopodis* pv. *citri*, sugerindo modelos de resolução dessa chaperona utilizando espalhamento de raio-X a baixo ângulo (SAXS) e obtendo padrões estruturais que podem ser úteis em outras pesquisas.

Xanthomonas axonopodes pv citr - Chaperona flagelar - SAXS