



B0178

### **INVESTIGANDO OS MECANISMOS MOLECULARES DA EPILEPTOGÊNESE PELA ANÁLISE DE EXPRESSÃO GÊNICA EM LARGA ESCALA**

Camila Real Delegá Rodrigues (Bolsista ProFIS/SAE), Andre S Vieira, Alexandre H.B. Mattos e Profa. Dra. Iscia Teresinha Lopes Cendes (Orientadora), Faculdade de Ciências Médicas - FCM, UNICAMP

Para entender melhor a fisiopatologia da epilepsia do lobo temporal mesial (ELTM) que afeta 40% dos pacientes com epilepsia, umas das ferramentas utilizadas são os modelos animais induzidos, destacando-se aqueles em que não há necessidade de indução de status epilepticus (SE). O benefício do trabalho com estes modelos animais é que podemos gerar uma lesão discreta, mas semelhante àquela que ocorre nos pacientes. Objetivou-se no presente estudo examinar os mecanismos moleculares de epileptogênese pela análise de expressão gênica por sequenciamento utilizando-se tecido cerebral, obtido de modelos animais que não apresentam SE. Os ratos receberam uma dose de pilocarpina (300mg/kg), sendo que aqueles que não apresentaram SE foram observados 24h por dia por 6 meses para o monitoramento de crises espontâneas. Após esse período os animais foram sacrificados, sendo o encéfalo coletado e processado para posterior microdissecção a laser das estruturas hipocâmpais: giro denteado, CA1, CA2 e CA3. Os procedimentos realizados e resultados obtidos pela aluna foram a padronização da extração de RNA do tecido cerebral e análise dos indicadores de qualidade deste ácido nucleico. O RNA obtido apresentou qualidade suficiente para ser levado aos procedimentos de sequenciamento de alto desempenho.

Epileptogênese - RNA - Estruturas hipocâmpais